



## Influenza A H1N1, Chile

*Información recibida el 31/08/2009 desde Dr Ternicier Claudio, Jefe División Protección Pecuaria, Servicio Agrícola y Ganadero, Ministerio de Agricultura , Santiago , Chile*

### Resumen

Tipo de informe	Informe de seguimiento No. 1
Fecha de inicio	23/07/2009
Fecha de la primera confirmación del evento	20/08/2009
Fecha del informe	31/08/2009
Fecha de envío del informe a la OIE	31/08/2009
Motivo de la notificación	Enfermedad emergente
Morbilidad	61.4 %
Mortalidad	0 %
Impacto zoonótico	No
Agente causal	Virus de la influenza A
Serotipo	Otro
Este evento concierne	todo el país
Informes relacionados	<ul style="list-style-type: none"> <li>● <b>Notificación inmediata (21/08/2009)</b></li> <li>● <b>Informe de seguimiento N° 1 (31/08/2009)</b></li> </ul>
Focos	No hay nuevos focos en este informe

### Epidemiología

Fuente del o de los focos u origen de la infección	<ul style="list-style-type: none"> <li>● Desconocida o no concluyente</li> </ul>
Otros detalles epidemiológicos / comentarios	<p>Hasta la fecha, la vigilancia serológica realizada en el 100% de las granjas restantes de la empresa ha dado resultados negativos. Los datos de mortalidad y producción de estas granjas son normales. En el resto del país, los resultados del programa rutinario de vigilancia de la influenza aviar en aves de corral son negativos. Las muestras recogidas en aves silvestres cercanas a los focos han sido negativas para la influenza.</p> <p>En dos parvadas de aves reproductoras de pavos, la postura ha vuelto a la normalidad, quedando cuatro parvadas por recuperar esta condición.</p> <p>Se ha establecido un programa de bioseguridad de contención de la infección en las parvadas infectadas y de</p>

prevención en las granjas de la empresa que permanecen negativas. Además, se ha establecido un plan de erradicación del virus en las granjas afectadas que contempla el envío de las aves a matadero al final de su período de producción y una vez que se constate la ausencia de excreción viral mediante muestras seriadas realizadas mediante una prueba rápida y verificación por RRT-PCR para la matriz.

La investigación retrospectiva del movimiento de personas hacia y entre las granjas sigue en curso.

En la semana previa al inicio de la caída de la postura se registró el máximo de casos de influenza humana A/H1N1 en la zona en donde se ubican las granjas de aves (semana epidemiológica 28).

Respecto a los análisis de laboratorio se informa de lo siguiente:

- Los establecimientos afectados han sido monitorizados en forma sistemática mediante pruebas serológicas, con resultados negativos hasta el 28 de julio de este año.

- El 16 de agosto se detectó influenza tipo A en muestras de tórculas traqueales y cloacales por RRT-PCR para el gen de la matriz, según protocolo descrito por Spackman (NVSL/USDA), y negativas para H5 y H7 en RRT-PCR. La subtipificación por serología (IH, IN) confirmó la detección de un virus de la influenza de tipo A H1N1.

- El ARN de este virus de la influenza A H1N1 fue derivado al Instituto de Salud Pública de Chile (ISP), del Ministerio de Salud, con un resultado positivo para influenza A H1N1 por RRT-PCR, según protocolo CDC. La RRT-PCR para la influenza H1 y H3 estacional fue negativa.

- El ISP determinó la secuencia completa del genoma de los 8 genes (HA, NA, PA, PB, PB2, NP, NS y M) del virus de la influenza H1N1 encontrado en pavos, comparando el porcentaje de similitud con la cepa A/California/4/2009 y de la influenza H1N1 de Chile: en el gen HA 99,5% y 100%; en NA, 99,5% y 99,7%; en PB1, 99,8% y 99,9%; en PB2, 99,8% y 99,8%; en PA, 99,7% y 99,9%; en NP, 99,5 % y 99,7%; en NS, 99,8 % y 99,8%; en M, 99,8 % y 99,7%. El ISP concluye que el virus de la influenza A (H1N1) obtenido de pavo corresponde a la misma variante viral del virus A (H1N1) 2009 que ha circulado este invierno en nuestro país (número de acceso de Gene Bank GQ 200279 a GQ200286).

- El Laboratorio de los Servicios veterinarios nacionales (NVSL), Estados Unidos, indica resultados positivos

mediante RRT-PCR para el nuevo N1 (SEPRL, Laboratorio de investigación aviar del sudeste, Georgia, Estados Unidos), para N1 (NVSL/WI), para H1 (CDC) y una homología del gen HA 99,6% similar a CA/14/2009, 99,7% similar a MX/4108/2009 y 100% similar a NY/18/2009. El gen de la neuroaminidasa muestra una homología de 99,6% a MX/4108/2009, CA/4/2009, AZ/02/2009 y KS/02/2009.

## Medidas de Control

Medidas implementadas	<ul style="list-style-type: none"> <li>● Cuarentena</li> <li>● Tamizaje</li> <li>● Desinfección de áreas infectadas</li> <li>● Vacunación prohibida</li> <li>● Ningún tratamiento de los animales afectados</li> </ul>
Medidas para implementar	<ul style="list-style-type: none"> <li>● Ninguna otra medida</li> </ul>

## Resultados de las pruebas diagnósticas

Nombre y tipo de laboratorio	Laboratorio de los Servicios veterinarios nacionales (NVSL), Estados Unidos (Laboratorio de referencia de la OIE)			
Pruebas y resultados	<i>Especies</i>	<i>Prueba</i>	<i>Fecha de la prueba</i>	<i>Resultados</i>
	Aves	prueba RT-PCR en tiempo real	27/08/2009	Positivo
	Aves	secuenciación del gen	27/08/2009	Positivo
Nombre y tipo de laboratorio	Departamento de Laboratorios y Estaciones Cuarentenarias, SAG (Laboratorio nacional)			
Pruebas y resultados	<i>Especies</i>	<i>Prueba</i>	<i>Fecha de la prueba</i>	<i>Resultados</i>
	Aves	prueba RT-PCR en tiempo real	16/08/2009	Positivo
Nombre y tipo de laboratorio	Instituto de Salud Pública (Laboratorio nacional)			

**Pruebas y resultados**

<i>Especies</i>	<i>Prueba</i>	<i>Fecha de la prueba</i>	<i>Resultados</i>
Aves	prueba RT-PCR en tiempo real	20/08/2009	Positivo
Aves	secuenciación viral	28/08/2009	Positivo

***Informes futuros***

El episodio continúa. Informes de seguimiento semanales serán enviados